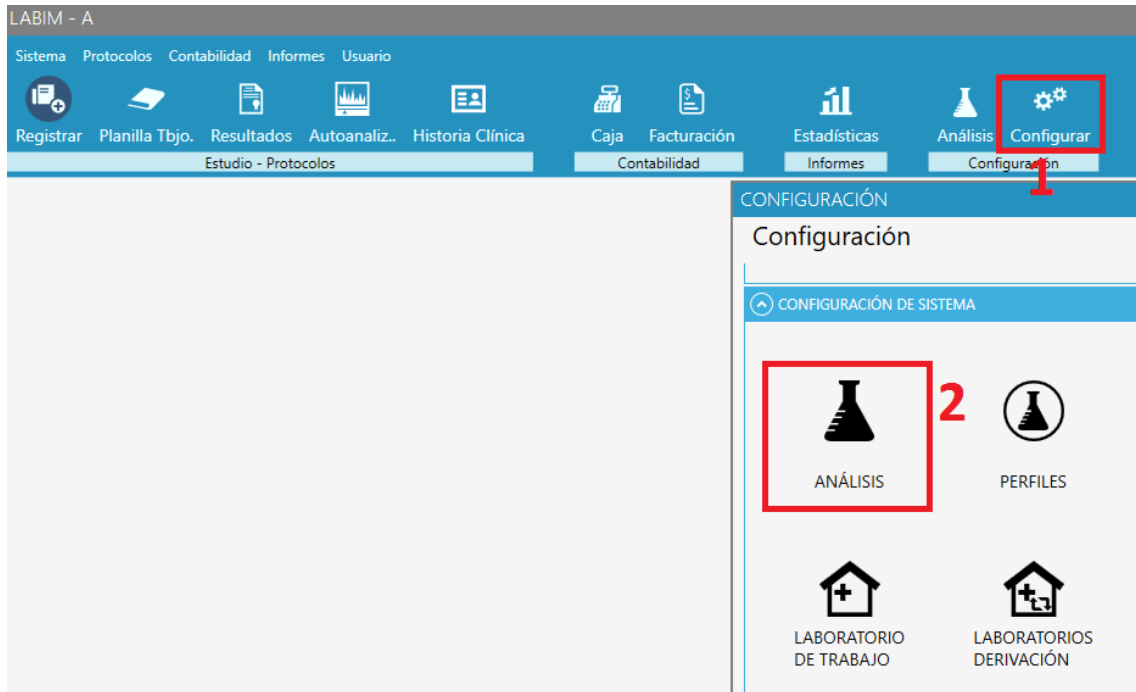


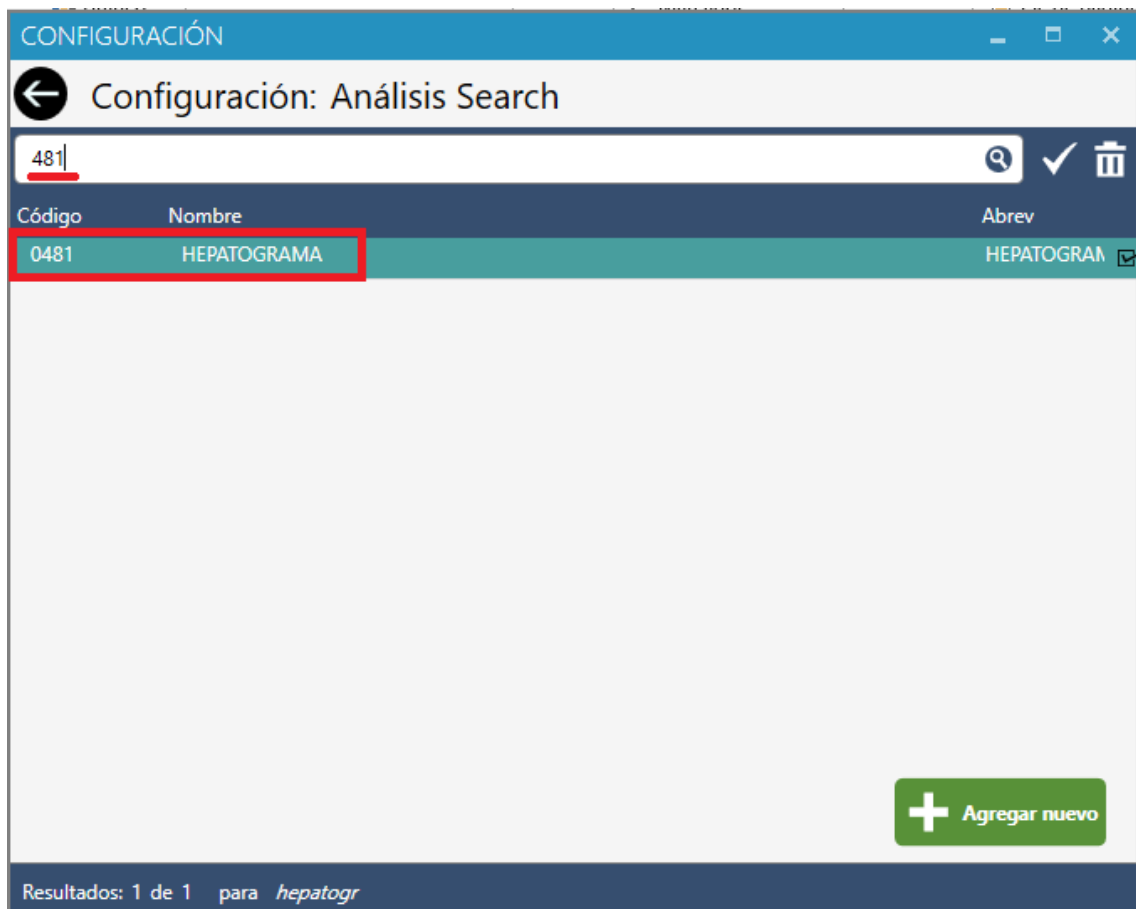
## Contenido

Ingresar a pantalla de edición de análisis .....	2
Agregar parámetros o subdeterminaciones a análisis .....	4
Editar valores de referencia .....	5
Agregar parámetros o subdeterminaciones a un análisis mientras carga resultados. (Recomendado) .....	6
Editar valores de referencia .....	7

## Ingresar a pantalla de edición de análisis



Ingrese el código o nombre del análisis a modificar y presione enter para buscar. Luego hacer doble click en la fila del listado de resultados de la búsqueda.



Se le mostrara la pantalla de edición de análisis, para realizar cualquier tipo de modificación como nombre, código, precios, parámetros de informe, reglas de validación, etc

ANÁLISIS
[-] [□] [X]

📄
🏠
0481 HEPATOGRAMA

General
Autoanalizador
Resultados
Reglas Validación
Planilla de Trabajo

Incluir en Informe  Si  No

Abreviatura

Nombre

Código

Método  + 🗑️

Indicaciones para Bioquímico

AUTOANALIZADOR DESTINO

Ninguno

CONFIGURAR

---

Código Facturación

Demora

Indicaciones para Paciente

PRECIOS

Modo de precio	Cantidad Unidades Bioquímicas	Precio Unidad Bioq.	PRECIO
Unidades Bioquímicas	6,0000	\$0,00	\$0,00

MATERIALES Y DERIVACIONES

Material:  🔄

Material	Derivación
<div style="display: flex; align-items: center;"> <div style="width: 15px; height: 15px; background-color: #e91e63; margin-right: 5px;"></div> <span>Suero</span> </div>	No se deriva <span style="float: right; font-size: 0.7em;">🗑️</span>

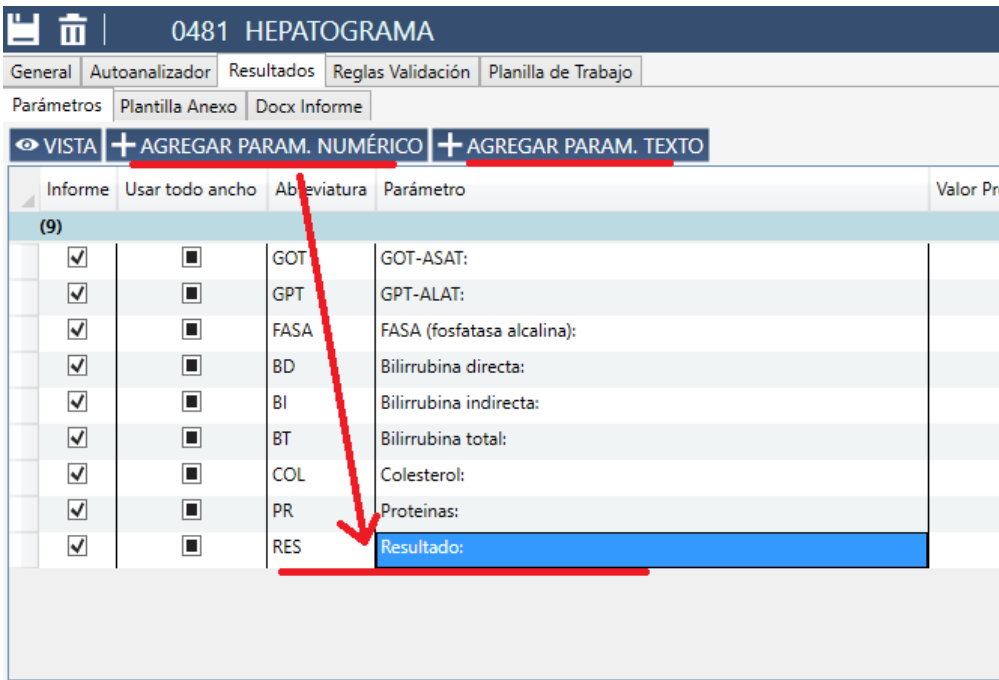
## Agregar parámetros o subdeterminaciones a análisis

En la pantalla de edición del análisis, ir a la pestaña **Resultados**. Allí tendrá un listado con todos los parámetros del análisis. Puede agregar, presionando el botón **Agregar param. Numérico** o **agregar param. Text**.

Parámetro numérico: cuando el resultado es solo un valor numérico con unidad de medida.

Por ejemplo: 3.5 g/dl

Parámetro texto: cuando el resultado no es exclusivamente numérico como: positivo, negativo, aspecto o cualquier otro texto libre que desee ingresar



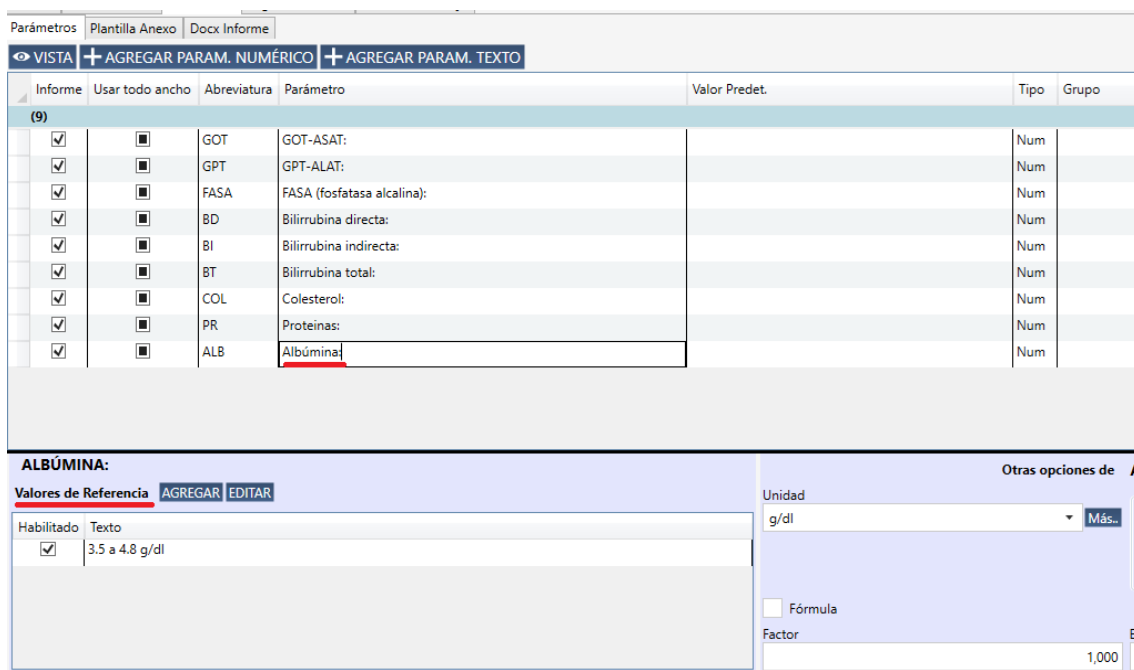
0481 HEPATOGRAMA

General Autoanalizador Resultados Reglas Validación Planilla de Trabajo

Parámetros Plantilla Anexo Docx Informe

VISTA + AGREGAR PARAM. NUMÉRICO + AGREGAR PARAM. TEXTO

Informe	Usar todo ancho	Abreviatura	Parámetro	Valor Pre
<b>(9)</b>				
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	GOT	GOT-ASAT:	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	GPT	GPT-ALAT:	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	FASA	FASA (fosfatasa alcalina):	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	BD	Bilirrubina directa:	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	BI	Bilirrubina indirecta:	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	BT	Bilirrubina total:	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	COL	Colesterol:	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	PR	Proteínas:	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	RES	Resultado:	



Parámetros Plantilla Anexo Docx Informe

VISTA + AGREGAR PARAM. NUMÉRICO + AGREGAR PARAM. TEXTO

Informe	Usar todo ancho	Abreviatura	Parámetro	Valor Predet.	Tipo	Grupo
<b>(9)</b>						
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	GOT	GOT-ASAT:		Num	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	GPT	GPT-ALAT:		Num	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	FASA	FASA (fosfatasa alcalina):		Num	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	BD	Bilirrubina directa:		Num	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	BI	Bilirrubina indirecta:		Num	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	BT	Bilirrubina total:		Num	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	COL	Colesterol:		Num	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	PR	Proteínas:		Num	
<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	ALB	Albúmina		Num	

**ALBÚMINA:**

Valores de Referencia AGREGAR EDITAR

Habilitado	Texto
<input checked="" type="checkbox"/>	3.5 a 4.8 g/dl

Unidad: g/dl Más..

Fórmula

Factor: 1,000

## Editar valores de referencia

En la parte inferior izquierda de la pantalla presione el botón **agregar** o **editar**.

En 1 se muestran todos los valores de referencia del parámetro elegido, y en 2 la configuración para ese valor de referencia específico.

**VALORES NORMALES EDICIÓN**

ACEPTAR

Análisis: **HEPATOGRAMA**

PARÁMETROS	
GOT	GOT-ASAT:
GPT	GPT-ALAT:
FASA	FASA (fosfatasa alcalina):
BD	Bilirrubina directa:
BI	Bilirrubina indirecta:
BT	Bilirrubina total:
COL	Colesterol:
PR	Proteínas:
ALB	Albúmina:

VALORES DE REFERENCIA	
Albúmina:	
SELEC	+ AGREGAR
ELIMINAR	
Habilit	Texto mostrar
<input checked="" type="checkbox"/>	3.5 a 4.8 g/dl

1

Habilitado

Texto mostrar: 3.5 a 4.8 g/dl

Aplicar: Siempre

2

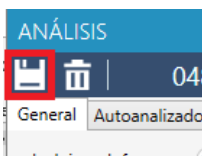
VALORES	
Operador	En intervalo cerrado [N,M]
Valor N	3,5000
Valor M	4,8000
Unidad De Medida	g/dl

(La unidad de medida debe coincidir con la del parámetro para que el valor normal sea aplicado y calculado correctamente)

La unidad actual de **Albúmina**: es **g/dl**

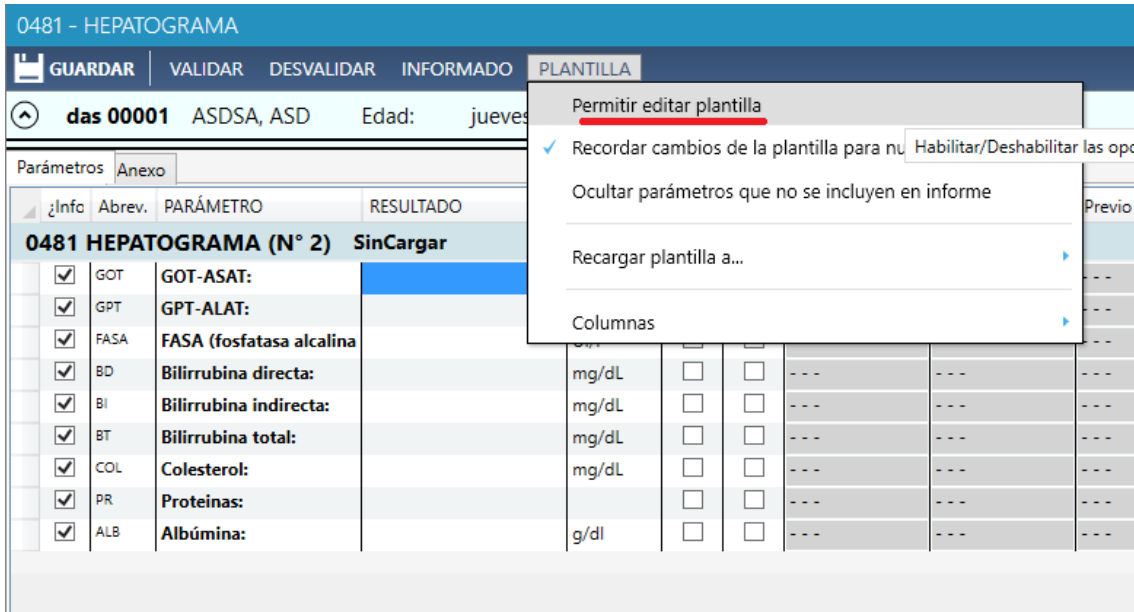
ASIGNAR MISMA UNIDAD QUE PARÁMETRO

Recuerde presionar el botón de guardado una vez que termine de configurar



## Agregar parámetros o subdeterminaciones a un análisis mientras carga resultados. (Recomendado)

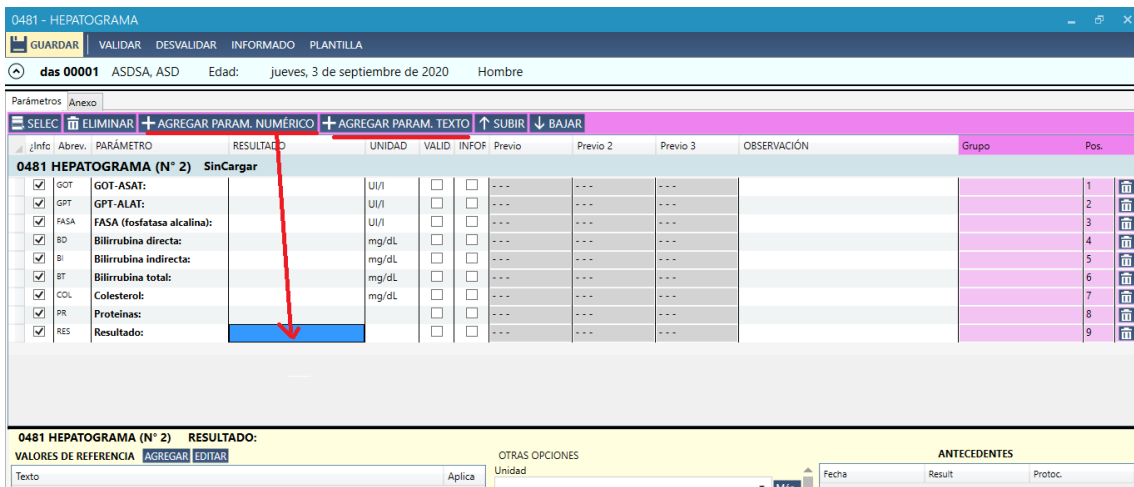
Cuando se encuentre en la pantalla de carga de resultados de un paciente, puede editar allí mismo la configuración de los parámetros. Para ello dirijase al menú **PLANTILLA** y elija la opción **Permitir editar plantilla**.



Aparecerán nuevas columnas y opciones que le permitirán editar la plantilla. Puede agregar nuevas filas o parámetros presionando el botón **Agregar Param Numérico** o **Agregar Param Texto**.

Parámetro numérico: cuando el resultado es solo un valor numérico con unidad de medida. Por ejemplo: 3.5 g/dl

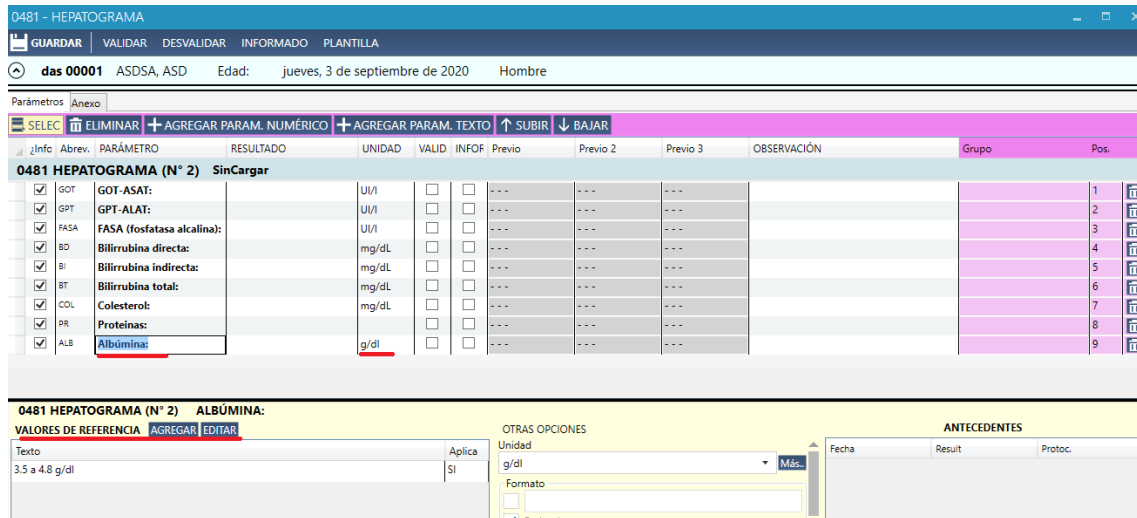
Parámetro texto: cuando el resultado no es exclusivamente numérico como: *positivo*, *negativo*, *aspecto* o cualquier otro texto libre que desee ingresar



Puede modificar el título del parámetro, unidad de medida.

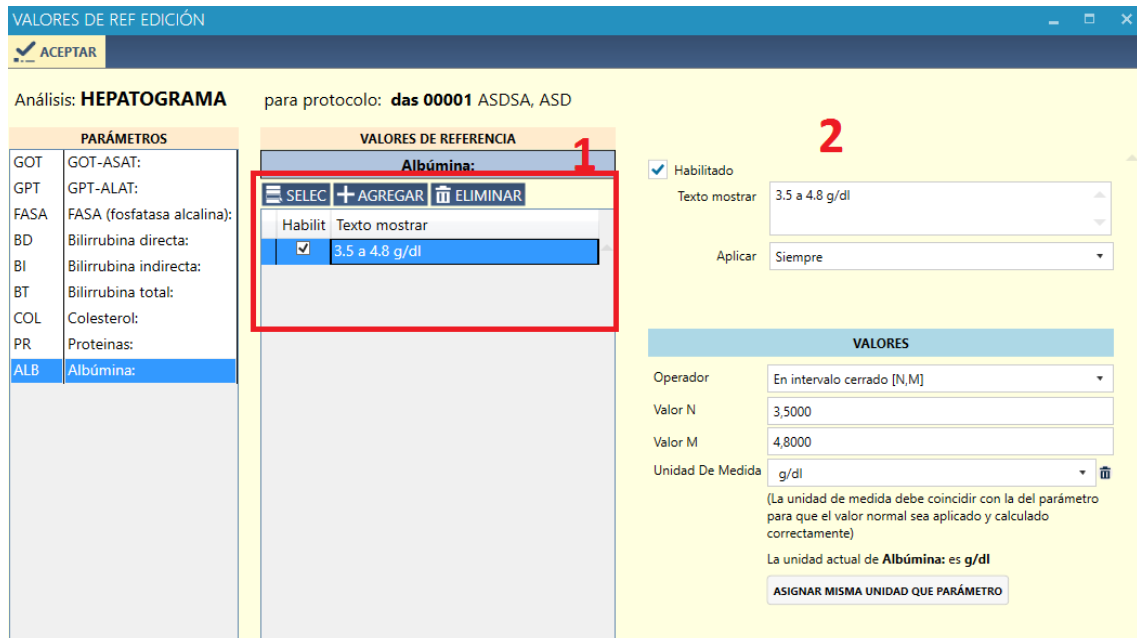
## Editar valores de referencia

En la parte inferior izquierda de la pantalla se encuentran las opciones para editar los valores de referencia. Presione el botón agregar o editar para abrir la pantalla de valores de referencia



En 1 se listaran todos los valores normales para el parámetro seleccionado. Puede añadir o quitar.

En 2 tendrá toda la configuración y texto a mostrar en el informe para el valor de referencia seleccionado en ese momento



Cuando termine de editar presione el botón aceptar y guardar para aplicar los cambios

0481 - HEPATOGRAMA

GUARDAR
VALIDAR
DESVALIDAR
INFORMADO
PLANTILLA

das 00 Guardar SDSA, ASD      Edad:      jueves, 3 de septiembre de 2

Parámetros Anexo

SELEC
ELIMINAR
+ AGREGAR PARAM. NUMÉRICO
+ AGREGAR PARAM

¿Info	Abrev.	PARÁMETRO	RESULTADO	UNIDAD	VALID
<b>0481 HEPATOGRAMA (N° 2) SinCargar</b>					
<input checked="" type="checkbox"/>	GOT	<b>GOT-ASAT:</b>		UI/l	<input type="checkbox"/>
<input checked="" type="checkbox"/>	GPT	<b>GPT-ALAT:</b>		UI/l	<input type="checkbox"/>
<input checked="" type="checkbox"/>	FASA	<b>FASA (fosfatasa alcalina):</b>		UI/l	<input type="checkbox"/>
<input checked="" type="checkbox"/>	BD	<b>Bilirrubina directa:</b>		mg/dL	<input type="checkbox"/>